

FORMULARZ DLA OGŁOSZENIODAWCÓW

INSTYTUCJA: Instytut Chemii Bioorganicznej PAN

MIASTO: Poznań

STANOWISKO K/M: post-doc

DYSCYPLINA NAUKOWA: nauki biologiczne

DATA OGŁOSZENIA: 11.09.2026r.

TERMIN SKŁADANIA OFERT: 11.10.2026r.

LINK DO STRONY: <https://www.ibch.poznan.pl/>

SŁOWA KLUCZOWE:

miRNA, nowotwory, mutacje somatyczne, niekodujący genom, interpretacja wariantów w genach miRNA,
modelowanie patogenności

OPIS (tematyka, oczekiwania, uwagi):

Globalna analiza konsekwencji funkcjonalnych wariantów w genach miRNA.

KONKURS ICHB PAN NR 10/2026/SN NA STANOWISKO TYPU POST-DOC

INSTYTUCJA: Instytut Chemii Bioorganicznej PAN
 ADRES: ul. Noskowskiego 12/14, 61-704 Poznań
 RODZAJ STANOWISKA K/M: post-doc
 LICZBA STANOWISK: 1
 DYSCIPLINA NAUKOWA: nauki biologiczne
 DATA OGŁOSZENIA: 11.09.2026
 TERMIN SKŁADANIA OFERT: 11.10.2026
 LINK DO STRONY ICHB PAN: <https://portal.ichb.pl/>

SŁOWA KLUCZOWE: miRNA, nowotwory, mutacje somatyczne, niekodujący genom, interpretacja wariantów w genach miRNA, modelowanie patogenności
 Kierownik projektu: dr Paulina Gałka-Marciniak
 Tematyka badawcza: Globalna analiza konsekwencji funkcjonalnych wariantów w genach miRNA.

Badania będą realizowane w ramach projektu OPUS 30 nr 2025/59/B/NZ2/03193 pt. „*Jak bardzo destrukcyjne są warianty genów mikroRNA? Globalna analiza ich konsekwencji funkcjonalnych*”, finansowanego przez Narodowe Centrum Nauki.

I. Opis projektu

Zmienność genetyczna w obrębie genów mikroRNA (miRNA) stanowi wciąż słabo poznane, lecz potencjalnie bardzo istotne źródło zaburzeń regulacyjnych przyczyniających się do chorób człowieka, w tym nowotworów. Do niedawna bardzo niewiele (prawie nic) było wiadomo na temat występowania i roli mutacji w genach miRNA. Ten ważny i praktycznie niepoznany temat został opisany głównie w pionierskich pracach naszego zespołu. Jednak pomimo rosnącej liczby zidentyfikowanych mutacji w genach miRNA, większość z nich jest ignorowana ze względu na brak wiedzy i narzędzi do ich analizy i interpretacji. Wciąż brakuje systematycznych ram umożliwiających interpretację biologicznych konsekwencji wariantów sekwencji w genach miRNA, analogicznych do „kodu genetycznego” stosowanego w przypadku wariantów w sekwencjach kodujących białka. Dostępne obecnie narzędzia do przewidywania efektu wariantów genetycznych nie zostały zaprojektowane z myślą o genach miRNA i dlatego nie uwzględniają specyficznych dla miRNA mechanizmów, w tym wymagań strukturalnych i sekwencyjnych niezbędnych do efektywnego przetwarzania prekursorów przez komórkowe RNazy, a także czynników determinujących precyzyjne oddziaływanie miRNA z cząsteczkami docelowymi.

Projekt zakłada szeroko zakrojone analizy mające na celu zbadanie funkcjonalności wariantów sekwencji w genach miRNA, uwzględniając ich potencjał patogenny. W ramach projektu przeprowadzimy wysokoprzepustową, edycję genomu, skupiając się na wygenerowaniu wariantów w genach miRNA z wykorzystaniem systemu CRISPR. Ich konsekwencje zostaną ocenione przy użyciu nowoczesnej platformy sekwencjonowania pojedynczych komórek (single-cell sequencing), która umożliwi jednoczesne profilowanie setek loci genomowych wraz z odpowiadającymi im zmianami transkryptomycznymi, dostarczając precyzyjnej, wysokorozdzielczej mapy efektów wariantów w tysiącach komórek.

Wyniki badań eksperymentalnych zostaną następnie zintegrowane z różnymi dostępnymi metrykami opisującymi wpływ zmian sekwencji na cechy ważne dla genów miRNA, tj. przyjmowaną strukturę prekursora, konserwację ewolucyjną, zmiany w motywach regulacyjnych, dane z genomiki funkcjonalnej oraz wyniki badań przesiewowych

wariantów pri-miRNA. Połączenie tych danych pozwoli zidentyfikować wzorce i trendy charakterystyczne dla wariantów o największym wpływie funkcjonalnym, będące podstawą opracowania systemu oceny umożliwiającego klasyfikację i priorytetyzację wariantów w genach miRNA. Stworzona platforma umożliwi naukowcom i klinicyście systematyczną interpretację wariantów miRNA identyfikowanych w badaniach genomowych, a w przyszłości wesprze ich wykorzystanie w diagnostyce, stratyfikacji ryzyka i onkologii precyzyjnej.

Post-doc będzie głównie odpowiedzialny za realizację zadań obliczeniowych przewidzianych w projekcie, obejmujących przetwarzanie i analizę danych sekwencjonowania uzyskanych w ramach badań eksperymentalnych, a także opracowanie, optymalizację i ocenę modeli statystycznych (w tym z wykorzystaniem uczenia maszynowego) służących do przewidywania patogenności wariantów w genach miRNA. Do jego zadań będzie również należała integracja wyników eksperymentalnych i obliczeniowych, przygotowanie pipeline'ów analitycznych wraz z ich dokumentacją oraz udział w opracowaniu końcowego narzędzia obliczeniowego. Post-doc będzie również zaangażowany w planowanie i optymalizację eksperymentów laboratoryjnych, tak aby uzyskiwane dane były odpowiednie do dalszej analizy obliczeniowej. Będzie także ściśle współpracował z doktorantem, zapewniając bieżące wsparcie merytoryczne.

Instytut Chemii Bioorganicznej PAN (ICHB PAN) jest jedną z wiodących jednostek naukowych w dziedzinie chemii, biologii molekularnej i biomedycyny w Polsce (liczba i jakość publikacji naukowych i zdobywanych grantów). Praca będzie wykonywana w młodym, dynamicznym zespole, dający możliwość dobrego publikowania swoich wyników. Praca w projekcie daje dużą szansę na rozwój i zdobycie dalszego doświadczenia w dziedzinie genetyki i bioinformatyki oraz dostęp do najnowszych technologii. Praca oraz doświadczenie zdobyte w ICHB PAN, jak i w zespole, w którym wykonywany będzie projekt, daje bardzo dobre podstawy do aplikowania w przyszłości o różnego typu granty czy kolejne samodzielne pozycje i stopnie naukowe.

II. Warunki, jakie powinien spełniać Kandydat:

Kandydat powinien posiadać:

1. Stopień naukowy doktora (lub równoważnik) w dziedzinie biologii molekularnej, bioinformatyki, biotechnologii, biochemii, medycyny lub pokrewnej.*
2. Udokumentowany dorobek naukowy w formie publikacji w rozpoznawalnych czasopismach naukowych (z bazy Web of Science, w tym pierwszoautorskich).
3. Doświadczenie w dziedzinie genetyki molekularnej nowotworów i/lub bioinformatyki i/lub biostatystyki, ewentualnie w innych obszarach genetyki człowieka i biologii molekularnej.
4. Mile widziane doświadczenie w analizie i integracji dużych zestawów danych biologicznych, zastosowaniu metod uczenia maszynowego, umiejętności programistyczne, w szczególności znajomości języków Python/R, doświadczenie w pracy z danymi NGS.
5. Silna motywacja do pracy i zaangażowanie w realizację projektu.
6. Znajomość narzędzi bioinformatycznych działających w środowisku linii komend.
7. Bardzo dobra znajomość języka angielskiego, umożliwiająca sprawną komunikację, czytanie i przygotowanie prac naukowych.
8. Wysoka motywacja do dalszego rozwoju, gotowość do samodzielnej pracy i samodzielnego rozwiązywania problemów.

*Zgodnie z wymogami NCN przyjęta może zostać tylko osoba, która uzyskała stopień naukowy doktora nie wcześniej niż 12 lat przed rokiem zatrudnienia w projekcie. Okres ten może być przedłużony o czas przebywania w tym okresie na długoterminowych (powyżej 90 dni) udokumentowanych zasiłkach chorobowych lub świadczeniach rehabilitacyjnych w związku z niezdolnością do pracy. Dodatkowo do tego okresu można doliczyć liczbę miesięcy przebywania na urloпах związanych z opieką i wychowaniem dzieci udzielanych na zasadach

określonych w Kodeksie pracy, a w przypadku kobiet – 18 miesięcy za każde urodzone bądź przysposobione dziecko, jeżeli taki sposób wskazania przerw w karierze naukowej jest bardziej korzystny.

Zgodnie z wymogami NCN przyjęta może zostać osoba, która uzyskała stopień naukowy doktora w podmiocie innym niż Instytut Chemii Bioorganicznej PAN lub uzyskała stopień w ICHB PAN, ale odbyła co najmniej 9-miesięczny, ciągły i udokumentowany staż naukowy, zrealizowany w trakcie kształcenia w szkole doktorskiej, studiów doktoranckich lub po uzyskaniu stopnia doktora, w podmiocie innym niż podmiot realizujący projekt oraz w kraju innym niż kraj uzyskania stopnia doktora.

III. Zakres obowiązków w projekcie:

1. Aktywne zaangażowanie w realizację projektu, w tym planowanie i prowadzenie analiz oraz interpretacja wyników z wykorzystaniem metod bioinformatycznych.
2. Przygotowywanie podsumowań/raportów.
3. Ciągłe poszerzanie wiedzy w zakresie obszarów, które obejmuje projekt.
4. Przygotowywanie publikacji naukowych.
5. Nadzorowanie pracy studentów/doktorantów.
6. Prezentacja wyników na seminariach, spotkaniach naukowych i konferencjach.

IV. Wymagane dokumenty:

1. Podanie do Dyrektora ICHB PAN, zawierające dane kontaktowe do dotychczasowych opiekunów naukowych lub innych pracowników naukowych, którzy mogą wydać opinię na temat kandydata.
2. Kopia dyplomu potwierdzającego uzyskanie stopnia doktora.
3. Życiorys naukowy, zawierający m.in. informacje o dorobku naukowym, dydaktycznym i organizacyjnym, z uwzględnieniem listy publikacji naukowych; informacji o kierowaniu lub udziale w projektach badawczych.

V. Zgłoszenie na konkurs należy złożyć za pośrednictwem portalu eRecruiter pod adresem:

<https://system.erecruiter.pl/FormTemplates/RecruitmentForm.aspx?WebID=f2f9c3a585774cda9005c7675c6dc1b8>

VI. Termin składania dokumentów upływa w dniu **11.10.2026 r.**

VII. Po przeprowadzeniu wstępnej weryfikacji na podstawie przesłanych dokumentów wybrani kandydaci będą zaproszeni na rozmowę kwalifikacyjną. Na podstawie jej wyników powstanie lista rankingowa osób rekomendowanych do zatrudnienia. W przypadku rezygnacji kandydata z wyższą lokatą, propozycję zatrudnienia otrzyma kolejna osoba z listy. Głównymi kryteriami brany pod uwagę przy selekcji kandydatów będą: (i) dorobek naukowy (publikacje), (ii) zgodność dotychczasowego doświadczenia z zadaniami badawczymi zaplanowanymi w ramach projektu i (iii) doświadczenie zdobyte na stażach naukowych.

VIII. Konkurs zostanie rozstrzygnięty do dnia **20.11.2026 r.**

IX. Dodatkowe informacje:

Pozycja dostępna od 02.11.2026 r., na okres 48 miesięcy. Przewidziane wynagrodzenie w zależności od doświadczenia wynosi do ok. 14 450 zł brutto (17 500 zł całkowitych kosztów wynagrodzenia). Zatrudnienie odbędzie się zgodnie z przepisami Kodeksu Pracy.

Świadczenia socjalne (dofinansowanie urlopu wypoczynkowego oraz karty Multisport lub biletów na imprezy kulturalne), możliwość przystąpienia do grupowego ubezpieczenia na życie i opieki medycznej.

Dodatkowych informacji może udzielić kierownik projektu:

dr Paulina Gałka-Marciniak

e-mail: pgalka@ibch.poznan.pl

Klauzula informacyjna:

Zgodnie z treścią art. 13 rozporządzenia Parlamentu Europejskiego i Rady (UE) 2016/679 z dnia 27 kwietnia 2016 r. w sprawie ochrony osób fizycznych w związku z przetwarzaniem danych osobowych i w sprawie swobodnego przepływu takich danych oraz uchylenia dyrektywy 95/46/WE (ogólne rozporządzenie o ochronie danych), zwanego dalej RODO, informujemy, że:

1. Administratorem zebranych danych osobowych jest Instytut Chemii Bioorganicznej Polskiej Akademii Nauk w Poznaniu adres: ul. Z. Noskowskiego 12/14, 61-704 Poznań; REGON 000849327 NIP 777-00-02-062 (zwanego w dalszej części Instytutem).
2. Administrator wyznaczył Inspektora Ochrony Danych, z którym można się kontaktować pisemnie, za pomocą poczty tradycyjnej pisząc na adres: Inspektor Ochrony Danych, Z. Noskowskiego 12/14, 61-704 Poznań lub wysyłając e-mail na adres: dpo@ibch.poznan.pl.
3. Dane osobowe przetwarzane są w celu realizacji zadań administratora związanych z przeprowadzeniem rekrutacji na wolne stanowisko.
4. Podstawą prawną przetwarzania danych stanowi ustawa z dnia 26 czerwca 1974 roku – Kodeks pracy, ustawa z dnia 30 kwietnia 2010 roku o Polskiej Akademii Nauk lub zgoda osoby, której dane dotyczą.
5. Państwa dane zgromadzone w obecnym procesie rekrutacyjnym będą przechowywane przez okres 3 miesięcy od momentu rozstrzygnięcia procesu rekrutacji. Po tym okresie dane osobowe zostaną skutecznie zniszczone.
6. Państwa dane osobowe nie będą przekazywane do kraju trzeciego.
7. Osobie, której dane są przetwarzane przysługuje prawo:
 - dostępu do treści swoich danych osobowych, żądania ich sprostowania lub usunięcia, na zasadach określonych w art. 15 – 17 RODO;
 - ograniczenia przetwarzania danych, w przypadkach określonych w art. 18 RODO;
 - przenoszenia danych, na zasadach określonych w art. 20 RODO;
 - cofnięcia zgody w dowolnym momencie bez wpływu na zgodność z prawem przetwarzania, którego dokonano na podstawie zgody przed jej cofnięciem;
 - wniesienia skargi do Prezesa Urzędu Ochrony Danych Osobowych.

Podanie danych osobowych w zakresie wynikającym z art. 22(1) ustawy z dnia 26 czerwca 1974 r. – Kodeks pracy, jest obowiązkowe, podanie danych w zakresie szerszym jest dobrowolne i wymaga wyrażenia zgody na ich przetwarzanie.

Ochrona sygnalistów

Informujemy, że w przypadku zgłaszania naruszeń za pomocą dedykowanego systemu dla sygnalistów, dane osobowe zgłaszającego będą przetwarzane zgodnie z obowiązującymi przepisami dotyczącymi ochrony danych osobowych, w tym z ww. Rozporządzeniem Parlamentu Europejskiego i Rady (UE 2016/679 z dnia 27 kwietnia 2016 r.). Zapewniamy poufność i ochronę tożsamości zgłaszających, oraz że ich dane nie będą ujawniane bez ich zgody, chyba że przepisy prawa stanowią inaczej.

Szczegółowe zasady dotyczące ochrony danych osobowych oraz procedury zgłaszania naruszeń prawa znajdują się w naszym Regulaminie zgłoszeń wewnętrznych w Instytucie Chemii Bioorganicznej Polskiej Akademii Nauk dostępnym pod linkiem:

https://portal.ichb.pl/wp-content/uploads/2024/09/ZacznikdoZarzdzienianr29_09_2024REGULAMINZGOSZEWEWNTRZNYCH-1.pdf