

FORMULARZ DLA OGŁOSZENIODAWCÓW

INSTYTUCJA: Instytut Chemii Bioorganicznej PAN

MIASTO: Poznań

STANOWISKO: Post-doc

DYSCYPLINA NAUKOWA: nauki biologiczne

DATA OGŁOSZENIA: 21.07.2022r.

TERMIN SKŁADANIA OFERT: 20.08.2022r.

LINK DO STRONY: <http://www.ibch.poznan.pl>

SŁOWA KLUCZOWE: sekwencjonowanie RNA metodą długich odczytów, lncRNAs, adnotacja genomu, syntenia, zachowawczość pozycyjna

OPIS (tematyka, oczekiwania, uwagi):

Rekrutacja związana jest z realizacją projektu badawczego, finansowanego przez Narodowe Centrum Nauki, **SONATA BIS 11** nr 2021/42/E/NZ2/00434 pt. „*Funkcjonalne czy нефunkcjonalne? Analiza pozycyjnie zachowanych ortologów długich niekodujących RNA w genomach kręgowców w rozdzielczości subkomórkowej*”. Głównym celem tego projektu jest identyfikacja czynników zawartych w sekwencji długich niekodujących RNA (lncRNA), które determinują ich specyficzną lokalizację subkomórkową. Prowadzone badania koncentrują się głównie na lncRNA wykazujących pozycyjną zachowawczość w genomach człowieka i myszy.

Kierownik projektu: dr hab. Barbara Uszczyńska-Ratajczak

KONKURS ICHB PAN NR 19/2022/SN NA STANOWISKO TYPU POST-DOC

INSTYTUCJA: Instytut Chemii Bioorganicznej PAN
MIASTO: Poznań
RODZAJ STANOWISKA: asystent/adiunkt
LICZBA STANOWISK: 1
DYSCYPLINA NAUKOWA: bioinformatyka, biologia obliczeniowa
DATA OGŁOSZENIA: 21.07.2022 r.
TERMIN SKŁADANIA OFERT: 20.08.2022 r.
LINK DO STRONY ICHB PAN: <http://www.ibch.poznan.pl>

SŁOWA KLUCZOWE: sekwencjonowanie RNA metodą długich odczytów, lncRNAs, adnotacja genomu, syntenia, zachowawczość pozycyjna

Rekrutacja związana jest z realizacją projektu badawczego, finansowanego przez Narodowe Centrum Nauki, **SONATA BIS 11** nr 2021/42/E/NZ2/00434 pt. „*Funkcjonalne czy niefunkcjonalne? Analiza pozycyjnie zachowanych ortologów długich niekodujących RNA w genomach kręgowców w rozdzielczości subkomórkowej*”. Głównym celem tego projektu jest identyfikacja czynników zawartych w sekwencji długich niekodujących RNA (lncRNA), które determinują ich specyficzną lokalizację subkomórkową. Prowadzone badania koncentrują się głównie na lncRNA wykazujących pozycyjną zachowawczość w genomach człowieka i myszy.

Kierownik projektu: dr hab. Barbara Uszczyńska-Ratajczak

I. Warunki, jakie powinien spełniać Kandydat:

1. Stopień doktora w dziedzinie bioinformatyki, informatyki lub nauk przyrodniczych.*
2. Doświadczenie w analizie danych uzyskiwanych metodą sekwencjonowania drugiej/trzeciej generacji.
3. Doświadczenie w pracy z Git.
4. Doświadczenie z zakresu uczenia maszynowego.
5. Znajomość systemu Linux i umiejętności programistyczne na poziomie średniozaawansowanym.
Preferowane środowiska programistyczne Python oraz R.
6. Znajomość Nextflow lub Snakemake będzie dodatkowym atutem.
7. Doskonałe umiejętności interpersonalne, motywacja i umiejętność samodzielnej pracy w wydajnym zespole badawczym.
8. Bardzo dobra znajomość języka angielskiego w mowie i piśmie.

*Zgodnie z wymogami NCN przyjęta może zostać tylko osoba, która **uzyskała stopień naukowy doktora nie wcześniej niż 7 lat przed rokiem zatrudnienia** w projekcie. Okres ten może być przedłużony o czas przebywania w tym okresie na długoterminowych (powyżej 90 dni) udokumentowanych zasiłkach chorobowych lub świadczeniach rehabilitacyjnych w związku z niezdolnością do pracy. Dodatkowo do tego okresu można doliczyć liczbę miesięcy przebywania na urloпах związanych z opieką i wychowaniem dzieci udzielanych na zasadach określonych w Kodeksie pracy, a w przypadku kobiet –18 miesięcy za każde urodzone bądź przysposobione dziecko, jeżeli taki sposób wskazania przerw w karierze naukowej jest bardziej korzystny.

Zgodnie z wymogami NCN przyjęta może zostać tylko osoba, która uzyskała stopień naukowy doktora w podmiocie innym niż Instytut Chemii Bioorganicznej PAN lub odbyła co najmniej 10-miesięczny, ciągły i udokumentowany staż podoktorski w podmiocie innym niż podmiot realizujący projekt oraz w kraju innym niż kraj uzyskania stopnia doktora.

II. Zakres obowiązków w projekcie:

Zadaniem osoby zatrudnionej w projekcie będzie opracowywanie metod i narzędzi ułatwiających proces katalogowania długich, niekodujących RNA przy wykorzystaniu metod sekwencjonowania nowej generacji (sekwencjonowanie RNA za pomocą długich odczytów, dane CAGE). Wybrany kandydat będzie również zaangażowany w badanie właściwości genomycznych zidentyfikowanych lncRNA w tym analizę zachowawczości ewolucyjnej w wybranych gatunkach zwierzęcych. Osoba zatrudniona będzie także brała czynny udział w czynnościach z zakresu opracowywania wyników i przygotowywania publikacji naukowych.

III. Wymagane dokumenty:

1. Podanie skierowane do Dyrektora ICHB PAN z wpisaną deklaracją, że Instytut będzie podstawowym miejscem pracy Kandydata oraz zgodą na zaliczenie do liczby N Instytutu (każdy pracownik naukowy w Polsce musi złożyć oświadczenie o zaliczeniu do liczby naukowców („N”) jednej wybranej jednostki naukowej).
2. CV.
3. List motywacyjny zawierający zwięzły opis doświadczenia badawczego.
4. Kopię dyplomu potwierdzającego uzyskanie stopnia doktora.
5. Informację o dorobku naukowym, dydaktycznym i organizacyjnym, z uwzględnieniem:
 - a) listy publikacji naukowych, liczny ich cytowani (bez autocytowań) i indeksu Hirscha,
 - b) wynalazków, patentów, opracowań wdrożeniowych,
 - c) informacji o kierowaniu lub udziale w projektach badawczych,
 - d) informacji o doświadczeniu dydaktycznym.
6. Dwie opinie samodzielnych pracowników naukowych na temat Kandydata.

IV. Zgłoszenie na konkurs należy złożyć za pośrednictwem portalu eRecruiter pod adresem:

<https://system.erecruiter.pl/FormTemplates/RecruitmentForm.aspx?WebID=a37042b40aac46feac4d2e6a7f58cf97>

V. Termin składania dokumentów upływa 20.08.2022 r.

VI. Po przeprowadzeniu wstępnej weryfikacji na podstawie przesłanych dokumentów wybrani kandydaci mogą być zaproszeni na rozmowę kwalifikacyjną (osobiście lub zdalnie).

VII. Konkurs zostanie rozstrzygnięty do dnia 31.08.2022 r.

VIII. Zatrudnienie odbędzie się zgodnie z przepisami Kodeksu Pracy.

IX. Oferujemy:

1. Pracę na pełen etat na okres 24 miesięcy z możliwością przedłużenia.
2. Przewidziane wynagrodzenie wynosi 10 000 PLN/ m-c (całkowity koszt wynagrodzenia, ok. 8 150 PLN brutto).
3. Pracę w interdyscyplinarnym środowisku badawczym obejmującym biologię molekularną i rozwojową, bioinformatykę, genomikę i transkryptomikę.
4. Stanowisko całkowicie ukierunkowane na pracę badawczą (bez obowiązków dydaktycznych).
5. Pełne wsparcie techniczne, administracyjne i organizacyjne profesjonalnego personelu.
6. Możliwość uczestnictwa w krajowych i zagranicznych konferencjach naukowych, kursach oraz warsztatach naukowych.
7. Preferowana data rozpoczęcia to 01.09.2022.

Dodatkowych informacji może udzielić kierownik projektu:

dr hab. Barbara Uszczynska-Ratajczak, e-mail: buszczynska@ichb.poznan.pl

Klauzula informacyjna:

Zgodnie z treścią art. 13 rozporządzenia Parlamentu Europejskiego i Rady (UE) 2016/679 z dnia 27 kwietnia 2016 r. w sprawie ochrony osób fizycznych w związku z przetwarzaniem danych osobowych i w sprawie swobodnego przepływu takich danych oraz uchylenia dyrektywy 95/46/WE (ogólne rozporządzenie o ochronie danych), zwanego dalej RODO, informujemy, że:

1. Administratorem zebranych danych osobowych jest Instytut Chemii Bioorganicznej Polskiej Akademii Nauk w Poznaniu adres: ul. Z. Noskowskiego 12/14, 61-704 Poznań; REGON 000849327 NIP 777-00-02-062 (zwanego w dalszej części Instytutem).
2. Administrator wyznaczył Inspektora Ochrony Danych, z którym można się kontaktować pisemnie, za pomocą poczty tradycyjnej pisząc na adres: Inspektor Ochrony Danych, Z. Noskowskiego 12/14, 61-704 Poznań lub wysyłając e-mail na adres: dpo@ibch.poznan.pl
3. Dane osobowe przetwarzane są w celu realizacji zadań administratora związanych z przeprowadzeniem rekrutacji na wolne stanowisko.
4. Podstawą prawną przetwarzania danych stanowi ustawa z dnia 26 czerwca 1974 roku – Kodeks pracy, ustawa z dnia 30 kwietnia 2010 roku o Polskiej Akademii Nauk lub zgoda osoby, której dane dotyczą.
5. Państwa dane zgromadzone w obecnym procesie rekrutacyjnym będą przechowywane przez okres 3 miesięcy od momentu rozstrzygnięcia procesu rekrutacji. Po tym okresie dane osobowe zostaną skutecznie zniszczone.
6. Państwa dane osobowe nie będą przekazywane do kraju trzeciego.
7. Osobie, której dane są przetwarzane przysługuje prawo:
 - dostępu do treści swoich danych osobowych, żądania ich sprostowania lub usunięcia, na zasadach określonych w art. 15 – 17 RODO;
 - ograniczenia przetwarzania danych, w przypadkach określonych w art. 18 RODO;
 - przenoszenia danych, na zasadach określonych w art. 20 RODO;
 - cofnięcia zgody w dowolnym momencie bez wpływu na zgodność z prawem przetwarzania, którego dokonano na podstawie zgody przed jej cofnięciem;
 - wniesienia skargi do Prezesa Urzędu Ochrony Danych Osobowych.

Podanie danych osobowych w zakresie wynikającym z art. 22(1) ustawy z dnia 26 czerwca 1974 r. – Kodeks pracy, jest obowiązkowe, podanie danych w zakresie szerszym jest dobrowolne i wymaga wyrażenia zgody na ich przetwarzanie.